



Результаты исследований

Пациент

Пол женский Возраст 37

Заказ

Показатель	Результат	Референсный интервал						
Молекулярно-генетические исследования								
[01063] Полиморфизм генов системы гемостаза, системы фибринолиза и метаболизма фолатов, 18 факторов (является дополнением к традиционному анализу на 4 фактора) - букальный эпителий								
Гены тромбофилии								
Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр			
F7	VII коагуляционный фактор	G10976A (rs6046)	Arg353Gln	G/A	2			
В активном состоянии фактор VII взаимодействует с фактором III, что приводит к активации факторов IX и X системы свертывания крови, то есть коагуляционный фактор VII участвует в образовании кровяного сгустка. Вариант G10976A приводит к снижению производительности (экспрессии) гена фактора VII и является защитным фактором в развитии тромбозов и инфаркта миокарда.								
Частота аллелей: G = 0,88, A = 0,12								
Ориентация цепи: минус								
Синонимы: c.10976, C>T (по плюсовой цепи)								
* - защитный аллель является более редким								
F7	VII коагуляционный фактор	A1/A2 (rs5742910)	c.-323	A1/A2	2			
В активном состоянии фактор VII взаимодействует с фактором III, что приводит к активации факторов IX и X системы свертывания крови, то есть коагуляционный фактор VII участвует в образовании кровяного сгустка.								
Данный полиморфизм включает вставку в 10 п.н. в положении -323 в области промотора гена F7.								
Аллель A1 означает отсутствие вставки, а аллель A2 - наличие.								
У пациентов с генотипом A2A2 активности активированного фактора VII снижена на 66%.								
Частота аллелей: A2 (insCCTATATCCT)=0.20489								
Ориентация цепи: плюс								
Синонимы: N/ins								
* - защитный аллель является более редким.								
FGB	Фибриноген	G-455A (rs1800790)	Promoter	G/G	1			
Этот полиморфизм сопровождается повышенной производительностью (экспрессией) гена, что приводит к повышенному уровню фибриногена в крови и увеличивает вероятность образования тромбов. Повышенная склонность к тромбообразованию может приводить к тромбозам, кардиоваскулярным заболеваниям и осложнениям беременности.								
Частота аллелей: G=0.8586								
Ориентация цепи: плюс								
Синонимы: c.-455								
F11	XI коагуляционный фактор	C>T (rs2289252)	C22771T	T/T	3			
Ген F11 кодирует фактор FXI внутреннего пути свертывания крови. Полиморфизм связан с развитием венозного тромбоза.								
Частота аллелей: C=0.6805								
Ориентация цепи: плюс								
Синонимы: c.22771								
Гены гипофibrинолиза и риска венозных тромбозов								
Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр			
F12	XII коагуляционный фактор (Хагемана)	C46T (rs1801020)	5'-UTR	C/T	2			
Ген F12 кодирует фактор XII свертывания крови (фактор Хагемана).								
Полиморфизм ассоциирован с резким снижением продукции печенью фактора XII.								
При дефиците фактора XII в коагулограмме увеличено время свертывания крови и АЧТВ без признаков кровоточивости.								
При дефиците фактора Хагемана повышается риск тромбозов, так как этот фактор в большей степени активирует фибринолиз, чем свёртывание.								
Аллель TT является фактором риска заболеваний сердца, невынашиванием беременности на малых сроках, неудачными попытками ЭКО.								
Частота аллелей: T=0.4724								
Ориентация цепи: минус								
Синонимы: c.46, G>A (по плюсовой цепи)								
F13A1	Фактор XIII свертывания крови (F13A1-фибриназа)	G103T/G103A (rs5985)	Val34Leu	T/T	3			

Показатель	Результат	Референсный интервал							
Ген F13A1 – ген, отвечающий за синтез альфа-цепи фактора XIII свертывания крови.									
Функция продукта гена: участвует в образовании нерастворимого фибринова, представляющего собой основу кровяного сгустка. Стабилизация фибринового сгустка заключается как в повышении его механической прочности, так и в защите от лизиса.									
Возможные генотипы и клинические проявления: G/G: без особенностей; G/T и T/T: снижение уровня XIII фактора в плазме, нарушение структуры и свойств фибринового сгустка. Основным результатом носительства аллеля Т является выраженная резистентность к фибринолизу. Наличие этого полиморфизма создает серьезные проблемы для нормальной инвазии трофобласта, ремоделирования спиральных артерий и функционирования плаценты. Отсюда выраженное повышение риска осложнений беременности, особенно в сочетании с другими факторами, в частности, с полиморфизмами PAI-1 и фактора XII.									
Частота аллелей: G=0.8522									
PLAT	Тканевой активатор плазминогена (t-PA)	C-7351T (rs2020918)	Promoter	C/T	2				
Тканевый активатор плазминогена активирует превращение плазминогена в плазмин. Плазмин расщепляет фибрин (этот процесс называется фибринолиз), тем самым тормозит тромбообразование.									
Аллель Т сопровождается снижением высвобождения PLAT и, следовательно, неэффективному фибринолизу. Наличие данного варианта гена связано с повышенным тромбообразованием, риском инфаркта миокарда, инсульта.									
Частота аллелей: T=0.2548									
Ориентация цепи: минус									
Синонимы: c.-7351, G>A (по плюсовой цепи)									
Гены, связанные с рецепторами тромбоцитов									
Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр				
GP1BA	Тромбоцитарный гликопротеин Ib-альфа-субъединица (альфа-цепь рецептора фактора Виллебранда)	482C>T (rs6065)		C/C	1				
GP1BA – ген рецептора альфа-цепи рецептора фактора Виллебранда. Рецептор состоит из альфа-цепи, бета-цепи и еще двух гликопротеинов тромбоцитов: гликопротеина тромбоцитов IX и гликопротеина тромбоцитов V. Полиморфизм представляет собой аминокислотную замену треонина на метионин. Варианты полиморфизма определяют антигенную принадлежность тромбоцитов к 1 или 2 группе крови тромбоцитов по системе HPA-2: более частый вариант C - A1 и T- A2.									
Частота аллелей: C=0.911									
Ориентация цепи: плюс									
GP1BA	Тромбоцитарный гликопротеин Ib-альфа-субъединица (альфа-цепь рецептора фактора Виллебранда)	-5T>C (rs2243093)		T/T	1				
GP1BA – ген рецептора альфа-цепи рецептора фактора Виллебранда. Рецептор состоит из альфа-цепи, бета-цепи и еще двух гликопротеинов тромбоцитов: гликопротеина тромбоцитов IX и гликопротеина тромбоцитов V. Полиморфизм гена GP1BA ассоциирован с венозными тромбозами.									
Частота аллелей: T=0.865									
Ориентация цепи: плюс									
GP1BA	Тромбоцитарный гликопротеин Ib-альфа-субъединица (альфа-цепь рецептора фактора Виллебранда)	VNTR (rs41439349)		C/C	1				
GP1BA – ген рецептора альфа-цепи рецептора фактора Виллебранда. Рецептор состоит из альфа-цепи, бета-цепи и еще двух гликопротеинов тромбоцитов: гликопротеина тромбоцитов IX и гликопротеина тромбоцитов V. VNTR - Variable Number of Tandem Repeats = варьирующее число tandemных повторов. Число повторов из 13 аминокислот кодируется разными буквами. A = 4 повтора. B= 3 повтора. C=2 повтора. D = 1 повтор. Более "длинные" рецепторы (A и B), дают более мощный агрегационный ответ тромбоцитов на фактор Виллебранда и могут создать проблемы при имплантации и плацентации.									
* Наиболее распространенный вариант среди европейцев – C/C (60-65%), без особенностей. Варианты B/B (частота 1-3% в популяции) и B/C (частота 20-25%) являются потенциальными дополнительными факторами риска нарушения имплантации и плацентации, и следовательно, факторами бесплодия, невынашивания и неудачных попыток ВРТ (IVF). Распространенность остальных вариантов генотипов составляет 0-15%. Редкий вариант D защищает от гиперагрегации тромбоцитов.									
ITGA2	Альфа-2-субъединица интегрина (тромбоцитарный гликопротеин Ia, тромбоцитарный рецептор к коллагену)	C807T (rs1126643)	Phe224Phe	C/T	2				
Альфа-2 субъединица входит в состав интегрина α2β1 (гликопротеин Ia/IIa) и обеспечивает контакт тромбоцита с внеклеточным матриксом и «прилипание» к коллагену. Интегрин запускает процесс агрегации и генерации тромбина, что является необходимым условием включения последующих звеньев свертывающей системы крови.									
Смысль данного полиморфизма в том, что альфа-субъединица интегрина обычна, но ее становится гораздо больше на поверхности тромбоцита. При этом будет наблюдаться и "резистентность к аспирину", то есть аспирина требуется больше обычного.									
Частота гомозиготы C/C в популяции 38,44%, без особенностей.									
Наличие гетерозиготы C/T (частота 47,12%) или гомозиготы T/T (частота 14,44%) приводит к увеличению скорости адгезии тромбоцитов, что повышает риск инфаркта миокарда, ишемического инсульта, тромбоэмболических осложнений.									
Этот полиморфизм ассоциирован 1) с бесплодием неясного генеза; 2) с невынашиванием беременности; 3) с резким повышением неудач имплантации при IVF. Вероятность всех этих осложнений резко повышается у гомозигот по полиморфизму (T/T) и при сочетании с полиморфизмом ITGB3 в гомо- и гетерозиготных формах. В очень редких случаях против него могут образовываться антитела в результате аллоиммунизации. Поэтому очень, очень редко такие антитела могут быть причиной аллоиммунной тромбоцитопении новорожденных.									
Частота аллелей: C=0.6623									
Ориентация цепи: плюс									
Синонимы: c.807									

Показатель		Результат	Референсный интервал		
ITGB3 (GpIIa)	Цепь бета-За интегрина (интегрин-бета-3, тромбоцитарный гликопротеин бета-IIa)	T176C (PIA1/PIA2, rs5918)	Leu59Pro	T/C	2
Интегрины являются трансмембранными гликопротеинами, состоящими из двух цепей – альфа и бета и осуществляющими рецепторную функцию на мембране тромбоцитов. Основные функции интегринов: связь клетки с внеклеточным матриксом и передача сигнала. Цепь бета-За интегрина входит в состав интегрина IIb/IIIa и V/IIIa. Интегрин IIb/IIIa служит рецептором для фибриногена, запуская процесс свертывания крови и способствуя агрегации тромбоцитов.					
Наиболее часто встречающийся вариант Т/Т (А1) (72,25%). Наличие вариантов гетерозиготы Т/С (А1/А2) (частота 25,5%) или гомозиготы С/С (А2) (частота 2,25%) приводят к повышенной склонности тромбоцитов к агрегации, повышая риск сердечно-сосудистых заболеваний (риск возникновения инфаркта в 2-2,5 раза), риск тромботических осложнений. Вариант аллеля С/С (А2/А2) ассоциирован с увеличением риска перелома шейки бедра, рака яичника. Для достижения одинакового эффекта при полиморфизме rs5918 требуется более высокая доза аспирина. Система А1/A2 является самой важной в клиническом отношении в плане развития аутоиммунной тромбоцитопении новорожденных. Аллоиммунизация во время беременности возможна у беременных, гомозиготных по А2. Интегрин V/IIIa, в состав которого входит цепь, кодируемая геном ITGB3, сейчас интенсивно изучается как фактор, играющий огромную роль в имплантации, бесплодии няжского генеза и привычном невынашивании, неудачных попытках ЭКО. При всех этих трех состояниях экспрессия продукта ITGB3 снижена.					
Частота аллелей: Т = 0,85, С = 0,15					
Синонимы: с.1565					
P2RY12	P2Y пуринergicкий рецептор	A>G (rs2046934)		A/G	2
Ген P2RY12 кодирует P2Y пуринergicкий рецептор.					
Частота аллелей: G=0.1324					
Ориентация цепи: минус					
Синонимы: с.-15+742, T>C (по плюсовой цепи)					
Метаболизм фолата					
Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр
MTHFR	Метилентетрагидрофолатредуктаза	A1298C (rs1801131)	Glu429Ala	A/C	2
Ген MTHFR кодирует фермент метилентетрагидрофолатредуктазу. Функция продукта гена: восстанавливает 5,10-метилентетрагидрофолат до 5-метилтетрагидрофолата (катализатор реакции образования 5-метилтетрагидрофолата, необходимого для превращения гомоцистеина в метионин). Исследуемый полиморфизм MTHFR обозначается как мутация A1298C. Снижение функциональной активности фермента: Риск развития тромбозов. Невынашивание беременности, поздний гестоз. Возможные генотипы и клинические проявления: А/А: без особенностей. А/С: комбинация гетерозиготности аллелей 677T и 1298C сопровождается не только снижением активности фермента, но и повышением концентрации гомоцистеина в плазме и снижением уровня фолатов. С/С: снижение активности MTHFR примерно до 60 % от нормы. При беременности может вызывать снижение фолатов в плазме.					
Частота аллелей: А=0.7506					
MTR	Метионин синтаза	A2756G (rs1805087)	Asp919Gly	A/A	1
Ген MTR (B12-зависимая метионин-синтаза) кодирует аминокислотную последовательность фермента метионинсинтазы - одного из ключевых ферментов обмена метионина. Фермент катализирует образование метионина из гомоцистеина путём его реметилирования (обратное превращение гомоцистеина в метионин). Частота аллелей А/G, G/G составляет 20 - 30%.					
Возможные генотипы и клинические проявления: А/А: без особенностей. А/Г и Г/Г : о тмечается снижение функциональной активности фермента, рост уровня гомоцистеина в крови, гипергомоцистинемия. Повышение риска развития синдрома Дауна (рождение ребёнка с хромосомным синдромом при нормальном кариотипе родителей). Нарушение развития плода: незаращение нервной трубки, изолированные расщелины губы и нёба. Снижение гомоцистеина в плазме в ответ на повышение фолатов в пище.					
Частота аллелей: А=0.7817					
MTRR	Метионин синтаза-редуктаза	A66G (rs1801394)	Ile22Met	A/A	1
Ген MTRR кодирует метионин-синтазу-редуктазу - фермент, необходимый для поддержания активности метионин-синтазы путем восстановительного метилирования. При наличии аллеля G снижается функциональная активность фермента. Отмечается рост уровня гомоцистеина в крови. Частота аллелей А/G, G/G достигает 40 - 50%.					
Возможные генотипы и клинические проявления: А/А: без особенностей. А/Г и Г/Г: снижение функциональной активности фермента, гомоцистинемия, особенно в сочетании с полиморфизмом гена MTR: 2756A>G. Дефекты развития нервной трубки. Усиливает патологический эффект, ассоциированный с полиморфизмами генов MTHFR и MTR. Исследование полиморфизма 66A>G имеет прогностическое значение при оценке риска сердечно-сосудистых заболеваний.					
Частота аллелей: А=0.6358					
Полиморфизм генов антикоагулянтов					
Ген	Кодируемый белок	Полиморфизм	Локализация	Результат	Шифр
SERPINC1	Ингибитор сериновой протеазы	C>T, с.786 (rs2227589)		C/C	1
Полиморфизм ассоциирован со снижением антикоагулянтной активности.					
Частота аллелей: С=0.9					
PROC	Протеин С	A>T, с.2583 (rs1799810)		A/T	2

Показатель	Результат	Референсный интервал
Полиморфизм ассоциирован с развитием дефицита протеина C.		
Частота аллелей: T=0.39		
Шифр: 1 - гомозигота частый аллель, 2 - гетерозигота, 3 - гомозигота редкий аллель		

Результаты исследований не являются диагнозом и интерпретируются лечащим врачом с учетом всех данных о пациенте (лабораторных, инструментальных и клинических).

Записаться на приём к врачу: cironline.ru



Врач КДЛ: Аряева Д.А.,
Печёрина Е.Ю.